



Universitat Autònoma de Barcelona

Aproximación experimental y teórica a las carboxipeptidasas pancreáticas y reguladoras

Verónica Companys García
Enero 2002



Universitat Autònoma de Barcelona

Departament de Bioquímica i Biologia Molecular

Aproximación experimental y teórica a las carboxipeptidasas pancreáticas y reguladoras

Tesis presentada para obtener el grado de Doctora en Biología por Verónica Companys García, licenciada en Biología.

Trabajo realizado en el Departamento de Bioquímica y Biología Molecular de la Facultad de Ciencias de la Universidad Autónoma de Barcelona, bajo la dirección del Dr. Josep Vendrell y la Dra. Virtudes Villegas.

Verónica Companys

Dr. Josep Vendrell

Dra. Virtudes Villegas

Bellaterra, 25 de enero de 2002

Agradecimientos

Este trabajo ha sido posible gracias a la disponibilidad y dedicación de mis directores de tesis, el Dr Josep Vendrell y la Dra Virtudes Villegas, así como del director del grupo de investigación, el Dr Francesc X. Avilés.

También quiero expresar mi agradecimiento a mis compañeros PROs por crear un ambiente de trabajo tan agradable. En vosotros he encontrado más que compañeros, amigos.

Y gracias al Dr Lloyd D Fricker por haberme acogido tan bien en su laboratorio y a mis compañeros de grupo de Einstein, de los cuales tuve la oportunidad de aprender mucho.

Para la realización de este trabajo se ha utilizado soporte informático del Laboratorio de Análisis y Fotodocumentación de Electroforesis, Autorradiografía y Luminiscencia (Facultad de Ciencias, UAB).

Índice general

Índice general

I. Introducción	9
I.1. Las proteasas y su clasificación.....	11
I.2. Las metalocarboxipeptidasas.....	14
I.3. Estructura y mecanismo catalítico de las carboxipeptidasas	16
I.4. Funciones de las carboxipeptidasas.....	17
I.5. Evolución de las metalocarboxipeptidasas	22
I.6. Procarboxipeptidasas pancreáticas	24
I.6.1. Mecanismo catalítico de las procarboxipeptidasas pancreáticas	25
I.6.2. Estructura tridimensional de las procarboxipeptidasas pancreáticas	26
I.6.3. Activación de las procarboxipeptidasas.....	33
I.6.3.1. Proceso de activación de la PCPA1 porcina.....	34
I.6.3.2. Proceso de activación de la PCPB porcina	35
I.6.3.3. Proceso de activación de la PCPA2 humana	38
I.7. Las carboxipeptidasas no pancreáticas E y D.....	39
I.7.1. Carboxipeptidasa E.....	39
I.7.1.1. Distribución y propiedades de la CPE	41
I.7.1.2. La mutación <i>Cpe^{fat}/Cpefat</i>	42
I.7.1.3. Funciones fisiológicas de la CPE.....	44
I.7.2. Carboxipeptidasa D	45
I.7.2.1. Distribución y propiedades de la CPD.....	47
I.7.2.2. Transporte intracelular de la CPD	49
I.7.2.3. Funciones fisiológicas de la CPD	50
I.8. Referencias	51
Objetivos	63
M. Material y métodos	71
Prólogo.....	73
M.1. DNA recombinante	74
M.1.1. Material biológico y medios de cultivo	74
M.1.1.1. Microorganismos y cepas	74
M.1.1.2. Vectores.....	75
M.1.1.3. Medios de cultivo	76

M.1.2. Métodos de DNA recombinante	77
M.1.2.1. Extracción con fenol-cloroformo.....	77
M.1.2.1.1. Preparación del fenol	77
M.1.2.1.2. Extracción	78
M.1.2.1.3. Precipitación del DNA.....	78
M.1.2.2. Determinación de la concentración de DNA	79
M.1.2.2.1. Determinación espectrofotométrica	79
M.1.2.2.2. Estimación por electroforesis en gel de agarosa	79
M.1.2.3. Extracción de DNA plasmídico.....	79
M.1.2.3.1. Procedimiento de la lisis alcalina.....	79
M.1.2.3.2. Extracción con kit comercial	80
M.1.2.4. Digestiones enzimáticas de ácidos nucleicos	81
M.1.2.4.1. Digestiones con endonucleasas de restricción	81
M.1.2.4.2. Tratamiento con RNasa A.....	81
M.1.2.5. Separación del DNA mediante geles de agarosa	82
M.1.2.5.1. Electroforesis de DNA.....	82
M.1.2.5.2. Purificación de bandas de geles de agarosa	84
M.1.2.6. Clonaje de fragmentos de DNA en plásmidos.....	84
M.1.2.6.1. Defosforilación de los extremos 5' del DNA	84
M.1.2.6.2. Ligación de fragmentos de DNA	85
M.1.2.7. Preparación de células competentes de <i>E. coli</i>	86
M.1.2.8. Transformación de células competentes de <i>E. coli</i>	87
M.1.2.9. Mutagénesis dirigida por PCR.....	88
M.1.2.9.1. Extensión por solapamiento.....	88
M.1.2.9.2. Diseño de los cebadores.....	88
M.1.2.9.3. Primera fase de PCR	89
M.1.2.9.4. Segunda fase de PCR	90
M.1.2.9.5. Secuenciación del DNA	90
M.1.2.10. Transformación de <i>P. pastoris</i> . Método de los esferoplastos	90
M.2. Métodos de química de proteínas	93
M.2.1. Métodos electroforéticos	93
M.2.1.1. Electroforesis discontinua en presencia de SDS.....	93
M.2.1.2. Geles de tricina.....	95
M.2.1.3. Densitometría de geles y membranas	98
M.2.1.4. Tinción con azul de Coomassie	98
M.2.2. Métodos cromatográficos	99
M.2.2.1. Cromatografía convencional a presión atmosférica	99

M.2.2.1.1. Cromatografía de interacción hidrofóbica	99
M.2.2.1.2. Cromatografía de afinidad	100
M.2.2.2. Cromatografía líquida de alta resolución (FPLC)	100
M.2.2.2.1. Columnas de intercambio aniónico.....	101
M.2.2.3. Cromatografía líquida de alta presión (HPLC).....	101
M.2.2.3.1. Columnas de fase reversa	102
M.2.3. Métodos espectroscópicos	102
M.2.3.1. Determinación de la concentración de proteína: espectro de absorción en ultravioleta	103
M.2.3.2. Cuantificación de proteína por el método de Bradford	103
M.2.3.3. Determinación espectroscópica de actividades enzimáticas.....	104
M.2.3.3.1. Activación de las fracciones y medida de las actividades enzimáticas.....	104
M.2.3.3.2. Medida de la actividad CPB	104
M.2.3.3.3. Medida de la actividad tripsina	105
M.2.3.3.4. Medida de la actividad de las carboxipeptidasas reguladoras....	106
M.2.3.4. Espectrometría de masas	107
M.2.4. Secuenciación N-terminal de proteínas	107
M.2.5. Procedimientos generales	108
M.2.5.1. Diálisis.....	108
M.2.5.2. Minidiálisis.....	108
M.2.6. Técnicas de detección inmunológica: inmunotransferencia	108
M.3. Purificación y análisis de la PCPB recombinante y sus mutantes.....	110
M.3.1. Proceso de purificación	110
M.3.1.1. Obtención del medio extracelular.....	111
M.3.1.2. Primer fraccionamiento cromatográfico	111
M.3.1.3. Repurificación de la PCPB y de sus mutantes.....	112
M.3.1.4. Seguimiento y análisis electroforéticos	114
M.3.2. Estudio del proceso de activación tríptica de los mutantes de la PCPB porcina	115
M.3.2.1. Seguimiento de la aparición de actividad carboxipeptidasa B	116
M.3.2.2. Seguimiento electroforético.....	117
M.3.2.3. Seguimiento por RP-HPLC	117
M.3.2.4. Seguimiento del proceso de activación por espectrometría de masas.	118
M.4. Clonaje, expresión y purificación de las carboxipeptidasas reguladoras CPE y CPD	119
M.4.1. Clonaje y expresión	119

M.4.1.1. CPE.....	119
M.4.1.1.1. Introducción de la diana Mlu I en pPIC 9. Diseño de un adaptador	119
M.4.1.1.2. Introducción de los cDNAs en el vector pPIC 9 modificado.....	120
M.4.1.1.3. Transformación de <i>P. pastoris</i> y expresión	121
M.4.1.2. CPD	122
M.4.1.2.1. Clonaje en el vector de expresión de <i>Pichia pastoris</i>	122
M.4.1.2.2. Transformación de <i>P. pastoris</i> y expresión	123
M.4.2. Purificación de las carboxipeptidasas reguladoras CPE y CPD	125
M.5. Aparatos y reactivos	126
M.5.1. Aparatos.....	126
M.5.2. Reactivos	127
M.6. Referencias	127
 1. Capítulo 1. Descripción detallada de la relación estructura/función en los mecanismos de activación/inhibición de procarboxipeptidasas.....	131
1.1. Summary.....	133
1.2. Introduction.....	134
1.3. Materials and methods	135
1.3.1. Materials	135
1.3.2. Site-directed mutagenesis by PCR	135
1.3.3. Transformation and selection of productive clones	138
1.3.4. Expression and purification of pro-CPB mutants.....	138
1.3.5. Proteolytic processing of the recombinant proenzymes	138
1.3.6. Chromatographic analysis and purification of the activation products	139
1.4. Results and discussion	140
1.4.1. Overexpression in yeast, purification and characterization of the different mutants of pro-CPB	140
1.4.2. Mapping tryptic targets in pro-CPB-connecting segment.....	140
1.4.3. Relevance of the connecting segment in the pro-CPB tryptic activation.....	149
1.4.4. Determinants of pro-CPB inhibition	151
1.5. References	154
 2. Capítulo 2. Estructura cristalina del dominio II de carboxipeptidasa D de pato: un prototipo para la subfamilia de las metalocarboxipeptidasas reguladoras	157
2.1. Summary.....	159

2.2. Introduction.....	159
2.3. Results and discussion	162
2.3.1. Overall structure of CPD-2	162
2.3.2. Subdomain interactions	166
2.3.3. The active site	166
2.3.4. Detailed comparison of CPD-2 catalytic subdomain with other proteases.....	167
2.4. Conclusions.....	172
2.5. Materials and methods.....	172
2.5.1. Cloning, expression and purification of CPD	172
2.5.2. Crystallization and data collection	173
2.5.3. Structure solution and refinement	176
2.5.4. Miscellaneous.....	177
2.6. References	178
 3. Capítulo 3. Estructura cristalina del dominio 2 de CPD acomplejado con un inhibidor y modelado de otras carboxipeptidasas reguladoras.....	185
3.1. Abstract.....	187
3.2. Introduction.....	188
3.3. Materials and methods.....	191
3.3.1. Crystallization	191
3.3.2. Model building.....	194
3.4. Results	195
3.4.1. Structure of the complex CPD2-GEMSA	195
3.4.2. Sequence alignments, model building and refinement.....	197
3.4.3. Conserved interactions between GEMSA and the different models	199
3.5. Discussion.....	201
3.5.1. Structural basis of the inhibitor action	201
3.5.2. Overall comparison of the models	202
3.5.3. Active site and substrate binding subsites.....	204
3.5.4. Accessibility of the active site.....	206
3.6. References	208
 Discusión general	215
Conclusiones	227
