

5.- CONCLUSIONES

- 1.- La proteína Hha está constituida por un único dominio funcional que se encuentra implicado en la interacción con la proteína H-NS.
- 2.-*E. coli* es capaz de expresar proteínas recombinantes formadas por la proteína Hha fusionada al extremo carboxi-terminal de H-NS.
- 3.- Una de las proteínas quiméricas obtenidas en este trabajo (HhaHnsHyb2) es capaz de complementar parcialmente alguno de los fenotipos característicos de un mutante H-NS.
- 4.- Se ha identificado un miembro de la familia de proteínas H-NS en *Y. enterocolitica*. Presenta una elevada homología en su secuencia de nucleótidos con el gen *hns* de *E. coli* y además la proteína H-NS de *Y. enterocolitica* es capaz de sustituir a la proteína H-NS de *E. coli*.
- 5.- La interacción existente entre las proteínas Hha y H-NS de *E. coli* es extensible a otros miembros de ambas familias de proteínas.
- 6.- El gen *hns* de *Y. enterocolitica* a diferencia de lo que ocurre en otras especies bacterianas (*E. coli*, *Salmonella*, etc.) es esencial para dicho microorganismo en las condiciones ensayadas y únicamente se puede obtener la mutación en este gen cuando se complementa con un homólogo en *trans*.
- 7.- En las condiciones de cultivo utilizadas en este trabajo es posible obtener la inactivación funcional del gen *hns* en *Y. enterocolitica* si se suministra en *trans* bien un plásmido que presente expresión inducible del gen *hns* o bien el gen *stpA* de *E. coli*.